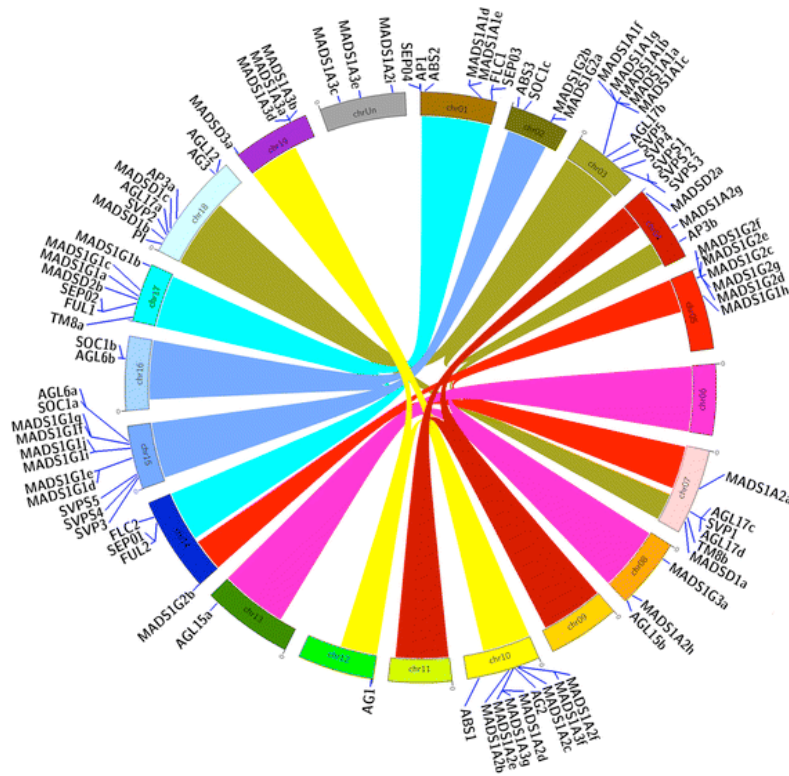


Completada la anotación estructural y funcional de la familia génica de factores de transcripción MADS-box en la vid

Los factores de transcripción de la familia MADS-box son importantes reguladores del desarrollo reproductivo de las plantas, incluyendo el tiempo de floración y el desarrollo de flores, frutos y semillas. Recientemente, el grupo VITIGEN del Instituto de Ciencias de la Vid y del Vino, en colaboración con la Universidad Politécnica de Madrid, ha revisado y completado la identificación y caracterización de hasta 90 genes de esta familia presentes en el genoma de la vid. El estudio ha permitido descubrir 30 nuevos genes no identificados previamente en este genoma, algunos de los cuales podrían participar en la regulación del desarrollo del embrión y del endospermo de la semilla.



Localización cromosómica de los genes MADS-box de vid.

Publicación original: Structural and functional annotation of the MADS-box transcription factor family in grapevine. Jérôme Grimplet, José Miguel Martínez-Zapater and María José Carmona. BMC Genomics.2016, 17:80 DOI: 10.1186/s12864-016-2398-7